

Fiche Technique Logiciel Anagène

Utilisation de la barre d'outils



Faire Fichier /Ouvrir pour afficher les séquences souhaitées

Comparer des séquences

Informations sur la ligne pointée

Les bulles d'aide

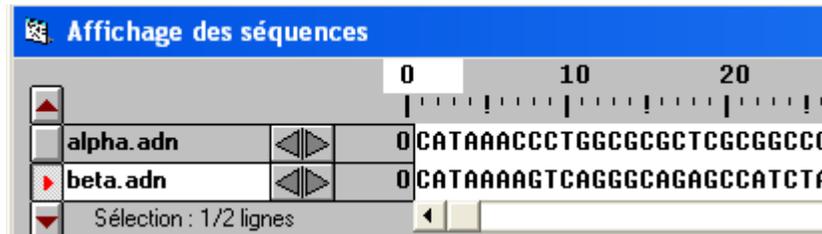
Lorsque le curseur de la souris pointe un objet, une bulle d'aide s'affiche.



Sélectionner une séquence

Le bouton de sélection comporte une flèche rouge. Cliquer sur le bouton de sélection.

La séquence sélectionnée s'inscrit sur fond blanc.



Comparer des séquences.

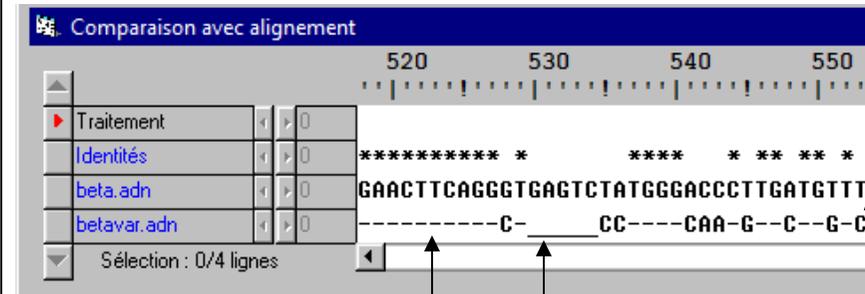
Utiliser le raccourci dans la barre d'outils ou le menu Traiter/comparer des séquences.

Pour comparer des séquences, elles doivent d'abord être sélectionnées.

La séquence de référence est toujours celle placée en premier.

Utiliser la **comparaison avec discontinuité** : cette fonctionnalité affiche le résultats de la comparaison entre deux séquences.

- Si un nucléotide de la séquence comparée est **identique** à celui de la séquence de référence, le logiciel affiche un **tiret central**.
- Si un nucléotide de la séquence comparée est **différent** de celui de la séquence de référence, le logiciel affiche **la lettre** correspondant au nucléotide qui diffère.
- Enfin si un nucléotide **manque** dans la séquence comparée, le logiciel affiche un **tiret bas** (*underscore*).



Nucléotide différent

Nucléotide identique

Nucléotides manquants

NB: en sélectionnant la ligne "Identités" puis en cliquant sur le bouton "Information sur la ligne pointée" dans la barre d'outils, le logiciel affiche le nombre total de nucléotides comparés, le nombre de nucléotides identiques entre les deux séquences et le pourcentage d'identité entre les deux séquences.