Cha	pitre	2	
Cila	PILLE	J	

espèces. Il est le r	ésultat de l'évolution	, peut être regardé, sur le plan évolutif, comme toutes les autres on et est en perpétuelle évolution. tie de celle des primates.
1.		
	groupe des primate	_
		e par le partage de caractères qu'aucun autre mammifère ne possède,
notamment :		
L'homme, Homo	sapiens, est un prin	nate, au même titre que le gorille, le chimpanzé, le macaque
On cherche à nos	itionner l'homme d	lans ce groupe des primates. Pour ceci on doit apprendre à

B. Construire un arbre phylogénétique

construire un arbre phylogénétique (arbre de).

> 1. en utilisant des caractères anatomiques

Au cours de l'évolution, les caractères se transforment. Pour un caractère, on peut définir un état
(ou primitif) et un état (qui résulte d'une innovation). L'état dérivé peut
correspondre à l'apparition d'un caractère nouveau (placenta, amnios,) ou à la transformation d'un
caractère préexistant (écaille ou plume pour le caractère phanère).

Donc, si on construit une matrice de comparaison de caractères morpho-anatomiques, on peut établir des relations de parenté entre les différentes espèces : deux espèces seront d'autant plus étroitement apparentées qu'elles partageront de caractères à l'état dérivé (= d'innovations).

Exemple:

	caractères				
Taxons	vertèbres amnios placenta				
Chien					
Mésange					
Sardine					
Ver de terre (extragroupe)	0	0	0		

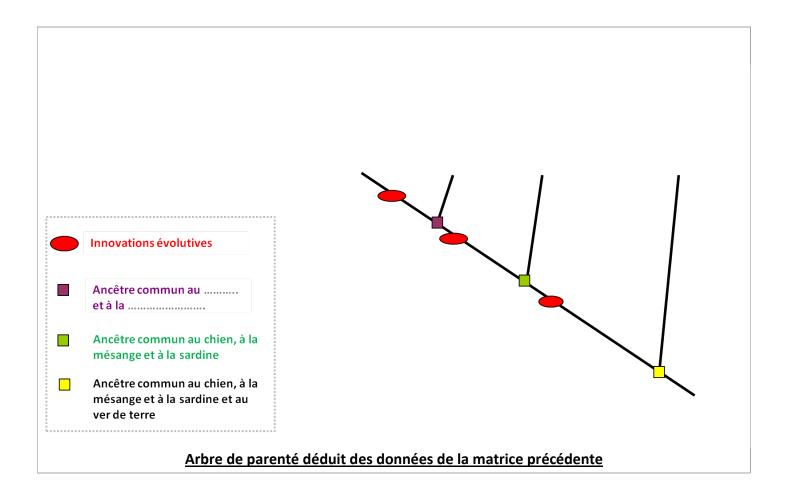
0: état ancestral

1 : Présence de l'innovation évolutive (= état dérivé)

Matrice taxons-caractères

Les caractères dérivés les plus partagés sont apparus « plus » au cours de l'évolution (dans l'exemple ci-dessus, les vertèbres) alors que les caractères dérivés les moins partagés sont apparus « plus » au cours de l'évolution (dans cet exemple, le placenta).

Les relations de parenté ainsi établies peuvent être traduites par un arbre phylogénétique.



Remarques:

- toutes les espèces actuelles ou fossiles sont situées à l'extrémité des branches de l'arbre
- les ancêtres communs se trouvent à l'....... des branches, ce ne sont pas des fossiles, ce sont des ancêtres hypothétiques, on peut déduire leurs caractéristiques (car un ancêtre possédait toutes les innovations apparues avant) mais on ne les connait pas.
- toutes les espèces qui descendent d'un même ancêtre commun possèdent tous les caractères dérivés que possédait cet ancêtre

En étudiant cet arbre, on peut dire :

- l'ancêtre commun au chien et à la mésange possédait des et un et un
- la mésange est plus étroitement apparentée au chien qu'à la sardine car elle partage avec le chien plus de caractères à l'état dérivé.

> 2. en utilisant des données moléculaires

Il est également possible de comparer des	de nucléotides de gènes ou des
séquences d'acides aminés de	On considère que si 2 protéines ont plus de 20% de leur
séquence en commun, elles dérivent d'une mo	lécule ancestrale et possèdent donc un ancêtre commun.
Plus les similitudes sont importantes, plus l'ai	ncêtre commun est récent et plus les espèces sont
apparentées.	

C. <u>La place de l'homme parmi les primates</u>

Activité p 232,233 du livre

Question 1:

	Terminaison des doigts (griffes ou ongles)	Pouce	Appendice nasal	Orbites	Vertèbres caudales* (queue ou coccyx*)
Homme		opposable	nez	fermées	
Chimpanzé		opposable	nez	fermées	
Gorille		opposable	nez	fermées	
Macaque		opposable	nez	fermées	
Tarsier		opposable	nez	ouvertes	
Maki		opposable	truffe	ouvertes	
Toupaïe		non opposable	truffe	ouvertes	

Di Matrice de comparaison de quelques caractères de différentes espèces (caractères ancestraux, caractères dérivés).

Arbre de parenté des primates

(données morpho-anatomiques complétées de données moléculaires)

	Terminale – Enseignement Scientifique- SVT – partie 3 – chap 3
Question 2:	
Question 3:	



Pour chaque proposition, identifiez la (ou les) bonne(s) réponse(s).

- Plus 2 espèces partagent de caractères résultant d'innovations évolutives:
- a. plus elles sont proches parentes.
- b. plus leur degré de parenté est grand.
- c. tout dépend des caractères.
- 2. D'après le DOC. 1, l'être humain est plus proche parent :

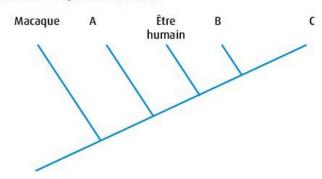
	Bonobo	Chimpanzé commun	Homme	Gorille	Macaque
Bonobo	0	0,881	2,64	3,08	11,9
Chimpanzé commun	2	0	2,64	3,08	11,9
Homme			0	3,08	11,9
Gorille				0	12,3
Macaque					0

DOC1 Pourcentage de différence dans la séquence de la protéine COX2 chez cinq grands singes.

Le gène cox2 est impliqué dans l'immunité chez les vertébrés. Les séquences de ce gène sont comparées afin d'estimer les ressemblances génétiques entre les espèces et d'en déduire leur degré de parenté.

- a. du chimpanzé commun que du bonobo.
- b. du gorille que du macaque.
- c. du bonobo que du gorile.
- **3.** D'après le DOC. 1, les deux espèces les plus proches parentes sont :
- a. le chimpanzé commun et l'être humain.
- b. l'être humain et le gorille.
- c. le bonobo et le chimpanzé commun.

4. À partir des données du DOC. 1, les liens de parenté entre les espèces ont été représentés sous forme d'un arbre de parenté (DOC. 2).



DOC 2 Arbre de parenté de cinq primates.

Les espèces correspondant aux lettres sont :

- a. A = gorille, B = chimpanzé commun ou bonobo,
 C = chimpanzé commun ou bonobo.
- **b.** A = gorille, B = chimpanzé commun forcément, C = bonobo forcément.
- **c.** A = chimpanzé commun ou bonobo, B = chimpanzé commun ou bonobo, C = gorille.
- 5. Plus 2 espèces sont proches parentes:
- **a.** plus leurs derniers ancêtres communs sont lointains dans le passé.
- b. plus leurs derniers ancêtres communs sont récents.
- c. moins elles ont d'ancêtres en commun.
- 6. D'après les données du DOC. 1, le chimpanzé commun partage l'ancêtre commun le plus récent avec :
- a. l'être humain.
- b. le gorille.
- c. le bonobo.