




## COMPARAISON - CONVERSION AVEC ANAGENE Version 2

Les icônes de la barre d'outils	Numérotation des éléments d'une séquence	
 <p style="text-align: center;">1 2 3 4 5 6 7 8 9 10 11 12 13 14 15 16 17 18</p>		<p>Echelle de repérage des nucléotides</p> <p>Echelle de repérage des acides aminés Attention au décalage des numéros</p>
<ol style="list-style-type: none"> <li>1. Banque de séquences</li> <li>2. Thèmes d'étude</li> <li>3. Programmes et documents</li> <li>4. Voir le classeur</li> <li>5. Enregistrer</li> <li>6. Imprimer</li> <li>7. Couper</li> <li>8. Copier</li> <li>9. Coller</li> <li>10. Effacer</li> <li>11. Convertir les séquences</li> <li>12. Comparer les séquences</li> <li>13. Action enzymatique</li> <li>14. Graphique de ressemblance</li> <li>15. Information sur ligne pointée</li> <li>16. Code génétique</li> <li>17. Grand curseur</li> <li>18. Fermer toutes les fenêtres</li> </ol>	<p><b>Cliquer</b> sur l'échelle pour passer de l'échelle des nucléotides à celle des acides aminés.</p> <p style="text-align: center;"><b>Utiliser le curseur</b></p> <p><b>Surligner</b> pour sélectionner la partie de la séquence choisie. <b>Cliquer</b> sur l'icône « grand curseur ».</p> <p style="text-align: center;"><b>Bulles d'aide</b></p> <p>Une bulle d'aide s'affiche sur l'objet pointé par le curseur de la souris</p>	
Editer une séquence	Sélectionner une séquence	
<p><b>Sélectionner</b> cette séquence dans l'un des répertoires d'Anagène :</p> <ul style="list-style-type: none"> <li>• Banque de séquences</li> <li>• Thèmes d'étude</li> <li>• Programmes et documents</li> </ul> <p>ou par «Fichier / Ouvrir / sauve»</p>	 <p><b>Cliquer</b> sur le bouton de sélection. La séquence sélectionnée s'inscrit sur fond blanc. On peut <b>sélectionner</b> plusieurs séquences. La flèche rouge indique la ligne pointée, sur laquelle il est possible d'obtenir des informations et que l'on peut <b>déplacer</b> à l'aide des flèches grises, haut - bas.</p>	
Convertir une séquence	Comparer des séquences	
<p>Menu «traiter / convertir ces séquences». Pour <b>traiter</b> une séquence, elle doit être au préalable sélectionnée.</p>	<p><b>ATTENTION : pour comparer, la séquence de référence est toujours celle qui est placée en premier.</b></p> <p>Menu «traiter / comparer les séquences» ou «convertir ces séquences».</p> <p>Pour <b>traiter</b> une séquence, elle doit être au préalable sélectionnée.</p> <p>La comparaison des séquences ne peut se faire que sur des séquences de même nature. Les flèches grises haut-bas permettent de placer la séquence de référence.</p> <p>Deux comparaisons possibles :</p> <ul style="list-style-type: none"> <li>• <u>La comparaison par alignement</u> permet de comparer avec discontinuité, en éliminant les décalages résultant de délétion(s) ou d'insertion(s), les valeurs affichées sont des ressemblances (identités),</li> <li>• <u>La comparaison simple</u> permet de comparer point par point des séquences sans aucun alignement, les valeurs affichées sont des différences.</li> </ul>	
Informations sur la ou les séquence(s) sélectionnée(s)		
<p>Menu «informations / sur la ligne pointée» pour obtenir des informations sur la sélection : soit d'une ligne, soit de toutes les lignes en cliquant d'abord devant « traitement ».</p> <p><i>Attention : les pourcentages obtenus portent soit sur des différences soit sur des ressemblances.</i></p>		
Créer des séquences		
<p>Menu «Fichier / créer». <b>Choisir</b> le type de séquence et le <b>nommer</b>. <b>Taper</b> ou <b>choisir</b> dans la fenêtre d'«édition de séquences», votre séquence.</p>		