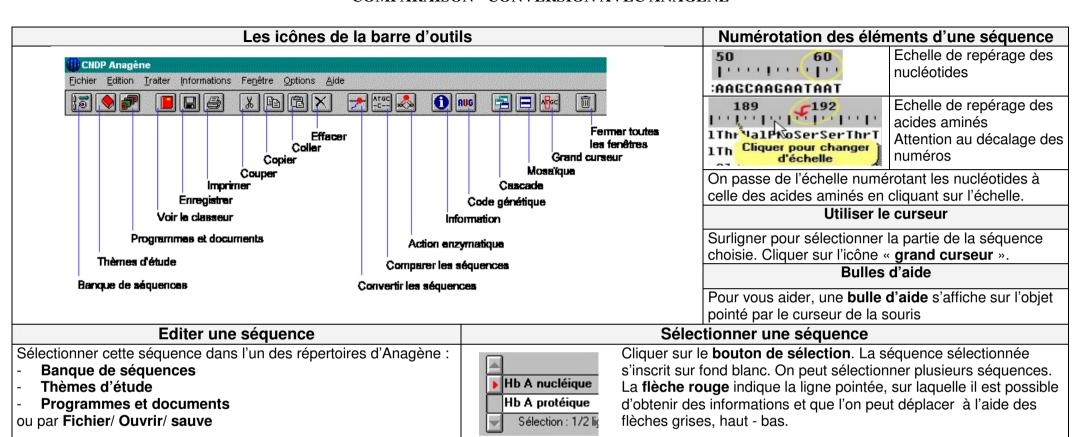
COMPARAISON - CONVERSION AVEC ANAGENE



Traiter une séquence

Utiliser pour cela le menu *traiter*. On peut *comparer les séquences* ou *convertir ces séquences*. Pour traiter une séquence, elle doit être au préalable sélectionnée.

Informations sur la ou les séquence(s) sélectionnée(s)

Utiliser le menu *informations / sur la ligne pointée* pour obtenir des informations sur la sélection : soit d'une ligne, soit de toutes les lignes en cliquant d'abord devant « traitement ». Informations fournies : description, données comparatives...

Créer des séquences

Ouvrir le menu Fichier Sélectionner « créer » puis Choisir le type de séquence et lui donner un nom. Taper ou choisir dans la fenêtre d'édition de séquences, votre séquence.

Comparer des séquences

ATTENTION : pour comparer, la séquence de référence est toujours celle qui est placée en premier.

La comparaison des séquences ne peut se faire que sur des séquences de même nature. Les flèches grises haut-bas permettent de placer la séquence de référence.

Deux comparaisons possibles :

- La comparaison par alignement permet de comparer avec discontinuité, en éliminant les décalages résultant de délétion(s) ou d'insertion(s), les valeurs affichées sont des ressemblances (identités).
- La comparaison simple permet de comparer point par point des séquences sans aucun alignement, les valeurs affichées sont des différences.